

Erfelijk bepaalde gevoeligheid voor chronische Q koorts

Aanleiding en verwachte resultaten

Er is –ondanks het vele onderzoek van de afgelopen jaren- nog weinig bekend over hoe chronische Q-koorts ontstaat, en waarom sommige mensen wel deze ziekte krijgen en anderen niet terwijl ze dezelfde risicofactoren hebben. Wij vermoeden dat verschillen in erfelijke eigenschappen hierbij een rol spelen. Wij zullen bepalen welke erfelijke eigenschappen van belang zijn bij het ontwikkelen van chronische Q-koorts. Dit helpt ons begrijpen hoe chronische Q-koorts ontstaat en kan helpen bij het ontwikkelen van nieuwe therapie of preventie. Daarnaast vinden we mogelijk erfelijke variaties die kunnen voorspellen wie van de mensen die risico lopen ook daadwerkelijk ziek zullen worden.

Hoe wordt het onderzoek uitgevoerd?

Wij zullen erfelijke variaties uitkiezen in genen waarvan we -gebaseerd op eerder onderzoek- vermoeden dat ze een rol spelen bij het ontstaan van chronische Q-koorts. Vervolgens bepalen we of deze erfelijke variaties vaker (of juist minder vaak) voorkomen in patiënten met chronische Q-koorts dan in mensen die ook besmet zijn met de Coxiella bacterie en dezelfde risicofactoren (zoals een hartklepafwijking of vaatwandprobleem) hebben voor het krijgen van chronische Q-koorts maar de ziekte desondanks niet hebben gekregen.

Wat is de status van het onderzoek?

Wij zijn begonnen met het opstarten van het onderzoek. Momenteel inventariseren we de genen die, gebaseerd op eerder onderzoek, mogelijk een rol spelen bij het ontstaan van chronische Q-koorts. Binnenkort hebben we overleg met een aantal chronische Q-koorts patiënten over de keuzes die we maken. Daarna wordt de definitieve keuze gemaakt en het onderzoek uitgevoerd.

Welke impact heeft het onderzoek op de patiënt?

Wanneer we weten welke erfelijke eigenschappen een rol spelen bij het ontstaan van chronische Q koorts kunnen we gericht zoeken naar een geneesmiddel om de patiënten te behandelen, of een middel dat de ziekte kan voorkomen. Daarnaast kunnen we, wanneer we weten welke erfelijke variaties voorspellen of iemand ziek wordt, deze informatie gebruiken om zowel de mensen die nu nog een verhoogd risico lopen op chronische Q koorts op te sporen, als bij een toekomstige uitbraak de mensen die dan een verhoogd risico hebben opsporen, om ze sneller, preventief te kunnen behandelen en zo chronische Q koorts te voorkomen.